



ANTIBODIES DIRECTED TO PDGFD AND USES THEREOF  
Corvalan et al.  
Appl. No.: 10/041,860 Atty Docket: ABGENIX.051A

**FIGURE 23**

**Figure 23A**

								Section 1		
		(1) 1	10	20	30	40	51			
CUR2-1.6.1_HC	(1)	EVQLVESGGGLVQPGGSLRLTCAASG					ENFR	YNNMNVROAPGKGLNVSII		
VH3-21	(1)	EVQLVESGGGLVQPGGSLRLTCAASG					FTES	YSMMNVROAPGKGLNVSII		
Consensus	(1)	EVQLVESGGGLVQPGGSLRLTCAASG					F	SY	MNVVRQAPGKGLNVSII	
								Section 2		
		(52) 52	60	70	80	90	102			
CUR2-1.6.1_HC	(52)	SSSSSNLYADSVKGRFTISRDNARNSLYLQ					NMNSLRAEDTAVYYCARDIMI			
VH3-21	(52)	SSSSSNLYADSVKGRFTISRDNARNSLYLQ					NMNSLRAEDTAVYYCAR	-----		
Consensus	(52)	SSSSS					IYYADSVKGRFTISRDNARNSLYLQ	NMNSLRAEDTAVYYCAR		
								Section 3		
		(103) 103	110	126						
CUR2-1.6.1_HC	(103)	TFGGIIASFYFDYWGQGTLLVTVSS			SEQ ID NO:13					
VH3-21	(99)	-----			SEQ ID NO:3					
Consensus	(103)									

**Figure 23B**

Section 1							
	(1)	10	20	30	40	51	
CUR2-1.6.1_LC	(1)	DIQMTQSPSSLSASVGDRVTITCRASQGIKNDLGFQOKPGKAPKRLIYAA				QOKPGKAPKRLIYAA	
A30	(1)	DIQMTQSPSSLSASVGDRVTITCRASQGIKNDLGFQOKPGKAPKRLIYAA				QOKPGKAPKRLIYAA	
Consensus	(1)	DIQMTQSPSSLSASVGDRVTITCRASQGIKNDLGFQOKPGKAPKRLIYAA				QOKPGKAPKRLIYAA	
Section 2							
	(52)	60	70	80	90	102	
CUR2-1.6.1_LC	(52)	SSISQSGVPSRPSGSGSGTEFTLTISSLQPEDFATYYCLOHNSYP					PLTGGGT
A30	(52)	SSISQSGVPSRPSGSGSGTEFTLTISSLQPEDFATYYCLOHNSYP					-----
Consensus	(52)	SSISQSGVPSRPSGSGSGTEFTLTISSLQPEDFATYYCLOHNSYP					-----
Section 3							
	(103)	103	107				
CUR2-1.6.1_LC	(103)	KVEIK	SEQ ID NO:14				
A30	(96)	-----	SEQ ID NO:11				
Consensus	(103)						

**FIGURE 24**

**Figure 24A**

		Section 1					
		(1)	10	20	30	40	51
Cur2-1.11.1 HC	(1)	EVQLVESGGGLIQPGGSLRLSCAASGFTVSSNYMSWVRQAPGKGLEWVS					
VH3-53	(1)	EVQLVESGGGLIQPGGSLRLSCAASGFTVSSNYMSWVRQAPGKGLEWVS					
Consensus	(1)	EVQLVESGGGLIQPGGSLRLSCAASGFTVSSNYMSWVRQAPGKGLEWVS					
		Section 2					
		(52)	52	60	70	80	90
Cur2-1.11.1 HC	(52)	YSGGSTYYADSVKGRFTISRDNKNTLYLQMNSLRAEDTAVYYCAGTVTTN					
VH3-53	(52)	YSGGSTYYADSVKGRFTISRDNKNTLYLQMNSLRAEDTAVYYCAR					
Consensus	(52)	YSGGSTYYADSVKGRFTISRDNKNTLYLQMNSLRAEDTAVYYCA					
		Section 3					
		(103)	103	110	120		
Cur2-1.11.1 HC	(103)	YYGMDVWGQGTITVTVSS				SEQ ID NO:15	
VH3-53	(98)	-----				SEQ ID NO:5	
Consensus	(103)						

**Figure 24B**

		Section 1					
		(1)	10	20	30	40	51
CUR2-1.11.1 LC	(1)	DIVMTQSPLSLPVTPGEPASISCRSSQSLLSNGYNYLDWYLQKPGQSPQ					
A19	(1)	DIVMTQSPLSLPVTPGEPASISCRSSQSLLSNGYNYLDWYLQKPGQSPQ					
Consensus	(1)	DIVMTQSPLSLPVTPGEPASISCRSSQSLLSNGYNYLDWYLQKPGQSPQ					
		Section 2					
		(52)	52	60	70	80	90
CUR2-1.11.1 LC	(52)	LIYLGSNRASGVDRPSGSGSDTPTLKISRVEAEDVGVYYCMQALQTLTP					
A19	(52)	LIYLGSNRASGVDRPSGSGSDTPTLKISRVEAEDVGVYYCMQALQTLTP					
Consensus	(52)	LIYLGSNRASGVDRPSGSGSDTPTLKISRVEAEDVGVYYCMQALQ					
		Section 3					
		(103)	103	111			
CUR2-1.11.1 LC	(103)	GGGTRVEIK				SEQ ID NO:16	
A19	(101)	-----				SEQ ID NO:8	
Consensus	(103)						

**FIGURE 25**

**Figure 25A**

							Section 1
		(1)	10	20	30	40	51
CR2-1.17.1 HC	(1)	QVQLVESGGGVVQPG <b>SLRLSCAASGTFPSSYG</b> MHWVROAPGKGLEWVAVI					
VH3-33	(1)	QVQLVESGGGVVQPG <b>SLRLSCAASGTFPSSYG</b> MHWVROAPGKGLEWVAVI					
Consensus	(1)	QVQLVESGGGVVQPGK <b>SLRLSCAASGTFPSSYG</b> MHWVROAPGKGLEWVAVI					
							Section 2
		(52)	52	60	70	80	90 102
CR2-1.17.1 HC	(52)	WYDGSNKYYADSVKGRFTISRDNSKNTLYLQMNSLRAEDTAVYYC <b>ARDQGY</b>					
VH3-33	(52)	WYDGSNKYYADSVKGRFTISRDNSKNTLYLQMNSLRAEDTAVYYC <b>AR----</b>					
Consensus	(52)	WYDGSNKYYADSVKGRFTISRDNSKNTLYLQMNSLRAEDTAVYYC <b>AR</b>					
							Section 3
		(103)	103	110	126		
CR2-1.17.1 HC	(103)	RYAGYYDYGMDVWGQGT <b>TVTVSS</b>				SEQ ID NO:17	
VH3-33	(99)	-----				SEQ ID NO:4	
Consensus	(103)						

**Figure 25B**

							Section 1
		(1) 1	10	20	30	40	52
CR2-1.17.1 LC	(1)	DIQMTQSPSSLSASVGRVTITCRASQGI <b>RNDLGWYQ</b> QKPGKAPKRLIYAAS					
A30	(1)	DIQMTQSPSSLSASVGRVTITCRASQGI <b>RNDLGWYQ</b> QKPGKAPKRLIYAAS					
Consensus	(1)	DIQMTQSPSSLSASVGRVTITCRASQGI <b>RNDLGWYQ</b> QKPGKAPKRLIYAAS					
							Section 2
		(53) 53	60	70	80	90	104
CR2-1.17.1 LC	(53)	SLQSGVP <b>SRFSGSGSGTEFTLTIS</b> SLOPEDFATYYCLOHNSYP <b>LTTPGGG</b> TKV					
A30	(53)	SLQSGVP <b>SRFSGSGSGTEFTLTIS</b> SLOPEDFATYYCLOHNSYP-----					
Consensus	(53)	SLQSGVP <b>SRFSGSGSGTEFTLTIS</b> SLOPEDFATYYCLOHNSYP					
							Section 3
		(105) 1057					
CR2-1.17.1 LC	(105)	<b>EIK</b> SEQ ID NO:18					
A30	(96)	--- SEQ ID NO:11					
Consensus	(105)						

**FIGURE 26**

**Figure 26A**

										Section 1
	(1)	1	10	20	30	40	50	60	70	52
CR2-1.18_HC	(1)	QVQLVQSGAEVKKPGASVKVSCKASGYTFTSYDINWVRQATGGGLEWMGWMN								
VH1-8	(1)	QVQLVQSGAEVKKPGASVKVSCKASGYTFTSYDINWVRQATGGGLEWMGWMN								
Consensus	(1)	QVQLVQSGAEVKKPGASVKVSCKASGYTFTSYDINWVRQATGGGLEWMGWMN								
										Section 2
	(53)	53	60	70	80	90	100	110	120	104
CR2-1.18_HC	(53)	PNSGNTGYAQRFGGRVTMTNRTSISTAYMELSSLRSEDATVYYCAR								
VH1-8	(53)	PNSGNTGYAQRFGGRVTMTNRTSISTAYMELSSLRSEDATVYYCAR								
Consensus	(53)	PNSGNTGYAQRFGGRVTMTNRTSISTAYMELSSLRSEDATVYYCAR								
										Section 3
	(105)	105	110	120	130	140	150	160	170	
CR2-1.18_HC	(105)	GTYYYYYGMDVWGQGTITVTVSS								
VH1-8	(99)	-----								
Consensus	(105)	GTYYYYYGMDVWGQGTITVTVSS								

SEQ ID NO:19  
 SEQ ID NO:1

**Figure 26B**

										Section 1
	(1)	1	10	20	30	40	50	60	70	53
CR2-1.18_LC	(1)	DIQMTQSPSSLSASVGDRVTITCRASQGIKNDLGMVQKPKGAPKRLIYAAS								
A30	(1)	DIQMTQSPSSLSASVGDRVTITCRASQGIKNDLGMVQKPKGAPKRLIYAAS								
Consensus	(1)	DIQMTQSPSSLSASVGDRVTITCRASQGIKNDLGMVQKPKGAPKRLIYAAS								
										Section 2
	(54)	54	60	70	80	90	100	110	120	106
CR2-1.18_LC	(54)	LQSGVPSPRFGSGSGTEFTLTISSLQPEDPATYFCLQHNSTP								
A30	(54)	LQSGVPSPRFGSGSGTEFTLTISSLQPEDPATYFCLQHNSTP								
Consensus	(54)	LQSGVPSPRFGSGSGTEFTLTISSLQPEDPATYFCLQHNSTP								
										Section 3
	(107)	107	110	120	130	140	150	160	170	
CR2-1.18_LC	(107)	K								
A30	(96)	-----								
Consensus	(107)	K								

SEQ ID NO:20  
 SEQ ID NO:11

ANTIBODIES DIRECTED TO PDGFD AND USES THEREOF  
Corvalan et al.  
Appl. No.: 10/041,860 Atty Docket: ABGENIX.051A

FIGURE 27

Figure 27A

Section 1								
	(1)	10	20	30	40	52		
Cur2-1.19.1 hc	(1)	QVQLVQSGAEVKKRPGASVKVSCKASGYTFTSYDINWVRQATGQGLEWMGMDMN						
VH1-8	(1)	QVQLVQSGAEVKKRPGASVKVSCKASGYTFTSYDINWVRQATGQGLEWMGMDMN						
Consensus	(1)	QVQLVQSGAEVKKRPGASVKVSCKASGYTFTSYDINWVRQATGQGLEWMGMDMN						
Section 2								
	(53)	53	60	70	80	90	104	
Cur2-1.19.1 hc	(53)	PNSGNTGYAQKPGQGRVTMTNTSISTAYMELSSLRSEDVAVVYCARDVMITP						
VH1-8	(53)	PNSGNTGYAQKPGQGRVTMTNTSISTAYMELSSLRSEDVAVVYCAR-----						
Consensus	(53)	PNSGNTGYAQKPGQGRVTMTNTSISTAYMELSSLRSEDVAVVYCAR						
Section 3								
	(105)	105	110	126				
Cur2-1.19.1 hc	(105)	GGVIVHYGMDVWGQGTTVTVSS			SEQ ID NO:21			
VH1-8	(99)	-----			SEQ ID NO:1			
Consensus	(105)							

Figure 27B

Section 1										
	(1)	10	20	30	40	52				
Cur2-1.19.1_lc	(1)	DIOMTQSPSSLSASVGDRTITCRASQGIANDLGWYQOKPGKAPKRLIYAAS								
A30	(1)	DIOMTQSPSSLSASVGDRTITCRASQGIANDLGWYQOKPGKAPKRLIYAAS								
Consensus	(1)	DIOMTQSPSSLSASVGDRTITCRASQGIANDLGWYQOKPGKAPKRLIYAAS								
Section 2										
	(53)	53	60	70	80	90	104			
Cur2-1.19.1_lc	(53)	SLQSGVPSRPSGSGSGTFTLTISSLQPEDPATVYCLQHNSDPCSFQGTSL								
A30	(53)	SLQSGVPSRPSGSGSGTFTLTISSLQPEDPATVYCLQHNSDPCSFQGTSL								
Consensus	(53)	SLQSGVPSRPSGSGSGTFTLTISSLQPEDPATVYCLQHNS P								
Section 3										
	(105)	1057								
Cur2-1.19.1_lc	(105)	EIR	SEQ ID NO:22							
A30	(96)	---	SEQ ID NO:11							
Consensus	(105)									

ANTIBODIES DIRECTED TO PDGFD AND USES THEREOF  
 Corvalan et al.  
 Appl. No.: 10/041,860 Atty Docket: ABGENIX.051A

FIGURE 28

Figure 28A

Section 1								
	(1)	10	20	30	40	51		
Cur2-1.23.1 HC	(1)	EVQLVQHGAIEVKRPGESLRKTSCEGSGYSPFTSYWIGWVRMPGKGLWNGIT						
VH5-51	(1)	EVQLVQSGAEVKRPGESLRKTSCEGSGYSPFTSYWIGWVRMPGKGLWNGII						
Consensus	(1)	EVQLVQSGAEVKRPGESLRKISC GSGYSPFTSYWIGWVRMPGKGLWNGII						
Section 2								
	(52)	52	60	70	80	90	102	
Cur2-1.23.1 HC	(52)	YPGDSDFRYSPSPQGVTTISADKSIISTAYLQWSSIRKASDTAMYYCARHVS						
VH5-51	(52)	YPGDSDFRYSPSPQGVTTISADKSIISTAYLQWSSIRKASDTAMYYCAR----						
Consensus	(52)	YPGDSDFRYSPSPQGVTTISADKSIISTAYLQWSSIRKASDTAMYYCAR						
Section 3								
	(103)	103	110	126				
Cur2-1.23.1 HC	(103)	YYVSGSYYNVPDYWGQGLTVTVSS			SEQ ID NO:23			
VH5-51	(99)	-----			SEQ ID NO:6			
Consensus	(103)							

Figure 28B

Section 1							
	(1)	10	20	30	40	51	
Cur2-1.23.1_LC	(1)	DIQMTQSPSSLSASVGDRVTITCRASQGISIRNDLGWYQOIFGKAPKRLIYAA					
A30	(1)	DIQMTQSPSSLSASVGDRVTITCRASQGISIRNDLGWYQOIFGKAPKRLIYAA					
Consensus	(1)	DIQMTQSPSSLSASVGDRVTITCRASQGISIRNDLGWYQOIFGKAPKRLIYAA					
Section 2							
	(52)	60	70	80	90	102	
Cur2-1.23.1_LC	(52)	SSISQGVPSRPSGSGSGTEFTLTISISLPEDFATYYCLOHNSYP					WTFGQGT
A30	(52)	SSISQGVPSRPSGSGSGTEFTLTISISLPEDFATYYCLOHNSYP					-----
Consensus	(52)	SSISQGVPSRPSGSGSGTEFTLTISISLPEDFATYYCLOHNSYP					
Section 3							
	(103)	103	107				
Cur2-1.23.1_LC	(103)	RVEIK		SEQ ID NO:24			
A30	(96)	-----		SEQ ID NO:11			
Consensus	(103)						

**FIGURE 29**

**Figure 29A**

		Section 1				
	(1)	1	10	20	30	40 51
CR2-1.24.1 HC	(1)	OVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCAASGTFSSYGMHWVROAPGKGLEWVADI				
VH3-33	(1)	OVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCAASGTFSSYGMHWVROAPGKGLEWVAVI				
Consensus	(1)	OVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCAASGTFSSYGMHWVROAPGKGLEWVA I				
		Section 2				
	(52)	52	60	70	80	90 102
CR2-1.24.1 HC	(52)	WYDGSNKYYADSVKGRPTISRDNBKNLTLYLQMNSLRAEDTAVYYCARDQGY				
VH3-33	(52)	WYDGSNKYYADSVKGRPTISRDNBKNLTLYLQMNSLRAEDTAVYYCAR----				
Consensus	(52)	WYDGSNKYYADSVKGRPTISRDNBKNLTLYLQMNSLRAEDTAVYYCAR				
		Section 3				
	(103)	103	110	126		
CR2-1.24.1 HC	(103)	SYGYVYYDYGMDVWGQSTTVTVSS				SEQ ID NO:25
VH3-33	(99)	-----				SEQ ID NO:4
Consensus	(103)					

**Figure 29B**

		Section 1				
	(1)	1	10	20	30	40 52
CR2-1.24.1 LC	(1)	DIQMTQSPSSLSASVGDRVTITCRASQGIKNDLWYQOKPKGKAPKRLIYAAS				
A30	(1)	DIQMTQSPSSLSASVGDRVTITCRASQGIKNDLWYQOKPKGKAPKRLIYAAS				
Consensus	(1)	DIQMTQSPSSLSASVGDRVTITCRASQGIKNDLWYQOKPKGKAPKRLIYAAS				
		Section 2				
	(53)	53	60	70	80	90 104
CR2-1.24.1 LC	(53)	SLQSGVPSRFSGGSGTEFTLTISLQPEDPATYTCLOHNSYP				
A30	(53)	SLQSGVPSRFSGGSGTEFTLTISLQPEDPATYTCLOHNSYP				
Consensus	(53)	SLQSGVPSRFSGGSGTEFTLTISLQPEDPATYTCLOHNSYP				
		Section 3				
	(105)	105	107			
CR2-1.24.1 LC	(105)	EIK				SEQ ID NO:26
A30	(96)	---				SEQ ID NO:11
Consensus	(105)					

**FIGURE 30**

**Figure 30A**

Section 1						
	(1)	10	20	30	40 51	
VH5-51	(1)	EVQLVQSGAEVKKRPGESLKI <del>EC</del> RGSGYSPT <del>ST</del> WIGWVRQMPGKGL <del>EW</del> MGII				
CR2-1.25.1_HC	(1)	EVQLVQSGAEVKKRPGESLKI <del>EC</del> RGSGYSPT <del>ST</del> WIGWVRQMPGKGL <del>EW</del> MGII				
Consensus	(1)	EVQLVQSGAEVKKRPGESLKISCKGSGY P <del>TS</del> YWIGWVRQMPGKGL <del>EW</del> MGII				
Section 2						
	(52)	52	60	70	80 90 102	
VH5-51	(52)	YPGDS <del>SD</del> TRYSP <del>SP</del> FQ <del>Q</del> VTISADK <del>SI</del> STAYLQW <del>SS</del> LKASDTAMYYCAR----				
CR2-1.25.1_HC	(52)	YPGDS <del>SD</del> TRYSP <del>SP</del> FQ <del>Q</del> VTISADK <del>SI</del> STAYLQW <del>SS</del> LKASDTAMYYCARHGSY				
Consensus	(52)	YPGDS <del>SD</del> TRYSP <del>SP</del> FQ <del>Q</del> VTISADK <del>SI</del> STAYLQW <del>SS</del> LKASDTAMYYCAR				
Section 3						
	(103)	103	110	126		
VH5-51	(99)	-----				SEQ ID NO:6
CR2-1.25.1_HC	(103)	YYGSETYYNVFDYWGQGLTVTVSS				SEQ ID NO:27
Consensus	(103)					

**Figure 30B**

Section 1						
	(1)	10	20	30	40 52	
A30	(1)	DIQMTQSPSSSLASVGGDRVTITCRASQGI <del>RND</del> LGWYQ <del>Q</del> KPGKAPKRLIYAA <del>S</del>				
CR2-1.25.1_LC	(1)	DIQMTQSPSSSLASVGGDRVTITCRASQGI <del>RND</del> LGWYQ <del>Q</del> KPGKAPKRLIYAA <del>S</del>				
Consensus	(1)	DIQMTQSPSSSLASVGGDRVTITCRASQGI <del>RND</del> LGWYQ <del>Q</del> KPGKAPKRLIYAA <del>S</del>				
Section 2						
	(53)	53	60	70	80 90 104	
A30	(53)	SLQSGVPSRPSGSGSGTEFTLTIS <del>S</del> LQPEDFATYYCLOHNSYP-----				
CR2-1.25.1_LC	(53)	SLQSGVPSRPSGSGSGTEFTLTIS <del>S</del> LQPEDFATYYCLOHNSYPFWPTFGQGTKV				
Consensus	(53)	SLQSGVPSRPSGSGSGTEFTLTIS <del>S</del> LQPEDFATYYCLOHNSYP				
Section 3						
	(105)	1057				
A30	(96)	---	SEQ ID NO:11			
CR2-1.25.1_LC	(105)	EIK	SEQ ID NO:28			
Consensus	(105)					



ANTIBODIES DIRECTED TO PDGFD AND USES THEREOF  
 Corvalan et al.  
 Appl. No.: 10/041,860 Atty Docket: ABGENIX.051A

**FIGURE 31**

**Figure 31A**

								Section 1	
	(1)	1	10	20	30	40	52		
VH5-51	(1)	EVQLVQSGAEVKKRPGESLKISCKGSGYSFTSYWIGWVROMPGKGLEWMGIIT							
CR2-1.29_HC	(1)	EVQLVQSGAEVKKRPGESLKISCKGSGYSFTSYWIGWVROMPGKGLEWMGIIT							
Consensus	(1)	EVQLVQSGAEVKKRPGESLKISCKGSGYSFTSYWIGWVROMPGKGLEWMGIIT							
								Section 2	
	(53)	53	60	70	80	90	104		
VH5-51	(53)	PGDSSTRYSPPSQGVTLISADKSTSTAYLQWSSLKASDTAMYYCAR-----							
CR2-1.29_HC	(53)	PGDSSTRYSPPSQGVTLISADKSTSTAYLQWSSLKASDTAMYYCARHVDVGA							
Consensus	(53)	PGDSSTRYSPPSQGV TLISADKSTSTAYLQWSSLKASDTAMYYCAR							
								Section 3	
	(105)	105	110	129					
VH5-51	(99)	-----							
CR2-1.29_HC	(105)	TIGGYYYYHGMVWGQGTTVTVSS							SEQ ID NO:6
Consensus	(105)	-----							SEQ ID NO:29

**Figure 31B**

--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--

ANTI. DIES DIRECTED TO PDGFD AND USES THERE  
 Corvalan et al.  
 Appl. No.: 10/041,860 Atty Docket: ABGENIX.051A

FIGURE 32

Figure 32A

Section 1					
	(1)	10	20	30	40
VH1-18	(1)	QVQLVQSGAEVRRPGASVKVSCKASGYTFTSYGISWVRQAPGGGLEWMGWIS			
CR2-1.33_HC	(1)	QVQLVQSGAEVKKPGASVKVSCKASGYTFTSYGISWVRQAPGGGLEMMGWIS			
Consensus	(1)	QVQLVQSGAEVRRPGASVKVSCKASGYTFTSYGISWVRQAPGGGLEWMGWIS			
Section 2					
	(53)	53	60	70	80
VH1-18	(53)	AYNGNTNYACKLQGRVTMTTDTSTSTAYMELRSLRSDDTAVYYCAR-----			
CR2-1.33_HC	(53)	AYNGNTNYACKLQGRVTMTTDTSTSTAYMELRSLRSDDTAVYYCARDHYDS			
Consensus	(53)	AYNGNTNYACKLQGRVTMTTDTSTSTAYMELRSLRSDDTAVYYCAR			
Section 3					
	(105)	105	110	127	
VH1-18	(99)	-----			
CR2-1.33_HC	(105)	SDYLYYYYGLDVWGQGTTVTVSS			
Consensus	(105)				
					SEQ ID NO:2
					SEQ ID NO:31

Figure 32B

Section 1					
	(1)	10	20	30	40
A20	(1)	DIQMTQSPSSLSASVGDRVTITCRASQGISNYLAWYQQRPGKVPKLLIYAAS			
CR2-1.33_LC	(1)	DIQMTQSPSSLSASVGDRVTITCRASQGISNYLAWYQQRPGKVPKLLIYAAS			
Consensus	(1)	DIQMTQSPSSLSASVGDRVTITCRASQGISNYLAWYQQRPGKVPKLLIYAAS			
Section 2					
	(54)	54	60	70	80
A20	(54)	IQSGVPSRFSGSGSGTDFTLTISSTQPEDVATYYCQRYNSAP-----			
CR2-1.33_LC	(54)	IQSGVPSRFSGSGSGTDFTLTISSTQPEDVATYYCQRYNSAPRLTFGGGTRVEI			
Consensus	(54)	LQSGVPSRFSGSGSGTDFTLTISSTQPEDVATYYCQRYNSAP			
Section 3					
	(107)	107			
A20	(96)	-	SEQ ID NO:9		
CR2-1.33_LC	(107)	K	SEQ ID NO:32		
Consensus	(107)				

**FIGURE 33**

**Figure 33A**

								Section 1	
	(1)	1	10	20	30	40	51		
VH3-33	(1)	QVQLVESGGGVVQGRSLRLSCAASGPTFSSTVGMMHWVROAPGKGLEWVAIT							
CR2-1.38.1_HC	(1)	QVQLVESGGGVVQGRSLRLSCAASGPTFSSTVGMMHWVROAPGKGLEWVAIT							
Consensus	(1)	QVQLVESGGGVVQGRSLRLSCAASGPTFSSTVGMMHWVROAPGKGLEWVAIT							
								Section 2	
	(52)	52	60	70	80	90	102		
VH3-33	(52)	WYDGSNKYYADSVKGRFTSRDNEKNTLYLQMNSLRAEDTAVYYCAR----							
CR2-1.38.1_HC	(52)	WYDGNDRYYADSVKGRFTSRDNEKNTLYLQMNSLRAEDTAVYYCARGYYY							
Consensus	(52)	WYDGSNKYYADSVKGRFTSRDNEKNTLYLQMNSLRAEDTAVYYCAR							
								Section 3	
	(103)	103	110	127					
VH3-33	(99)	-----							SEQ ID NO:4
CR2-1.38.1_HC	(103)	DSSDYLYYYYGMDVWGQGTTVTVSS							SEQ ID NO:33
Consensus	(103)								

**FIGURE 34**

**Figure 34A**

Section 1						
	(1)	10	20	30	40 51	
VH5-51	(1)	EVQLVQSGAEVRRKPGGSLKISCKGSGYSPTSYWIGWVRQMPGKGLDWMGII				
CR2-1.39.1_HC	(1)	EVQLVQSGTEVRRKPGESLKIICKGSGYRFTSYWIGWVRQMPGKGLDWMGII				
Consensus	(1)	EVQLVQSG EVRRKPGESLKIICKGSGY P TSYWIGWVRQMPGKGLDWMGII				
Section 2						
	(52)	60	70	80	90 102	
VH5-51	(52)	YPGDSDDTRYSPSPFGQVTTISADKSIISTAYLOWSSLKASDTAMYYCAR----				
CR2-1.39.1_HC	(52)	YPGDSDDTRYSPSPFGQVTTISADKSIISTAYLOWSSLKASDTAMYYCARHGSY				
Consensus	(52)	YPGDSDDTRYSPSPFGQVTTISADKSIISTAYLOWSSLKASDTAMYYCAR				
Section 3						
	(103)	103	110	126		
VH5-51	(99)	-----				SEQ ID NO:6
CR2-1.39.1_HC	(103)	YYNSGSSYNNVFDYWGQGLVTVSS				SEQ ID NO:35
Consensus	(103)					

**Figure 34B**

Section 1					
	(1)	10	20	30	40 52
A30	(1)	DIQMTQSPSSLSASVGDRVTITCRASQGITRNDLGWYQOKPGKAPKRLIYAAS			
CR2-1.39.1_LC	(1)	DIQMTQSPSSLSASVGDRVTITCRASQGITRNDLGWYQOKPGKAPKRLIYAAS			
Consensus	(1)	DIQMTQSPSSLSASVGDRVTITCRASQGITRNDLGWYQOKPGKAPKRLIYAAS			
Section 2					
	(53)	60	70	80	90 104
A30	(53)	SLQSGVPSRFSGSGSGTEFTLTITSSLPEDPATYYCLOHNSYP-----			
CR2-1.39.1_LC	(53)	SLQSGVPSRFSGSGSGTEFTLTITSSLPEDPATYYCLOHNSYFQWTFGQGTKV			
Consensus	(53)	SLQSGVPSRFSGSGSGTEFTLTITSSLPEDPATYYCLOHNSYP			
Section 3					
	(105)	1057			
A30	(96)	---	SEQ ID NO:11		
CR2-1.39.1_LC	(105)	EIK	SEQ ID NO:36		
Consensus	(105)				

AN. JUDIES DIRECTED TO PDGFD AND USES THER'  
Corvalan et al.  
Appl. No.: 10/041,860 Atty Docket: ABGENIX.051A

**FIGURE 35**

**Figure 35A**

	(1)	10	20	30	40	52	Section 1
VH1-8	(1)	QVQLVQSGAEVKRPGASVKVRSCRASGYTFTSYDINWVROATGQGLEWMGWMMN					
CR2-1.45_HC	(1)	QVQLVQSGAENVKRPGEASVKVRCKAGSYTFTSYDINTMVPQATGGGLEWMGWMMN					
Consensus	(1)	QVQLVQSGAEVKRPGASVKVRSCRASGYTFTSYDINWVROATGQGLEWMGWMMN					Section 2
	(53)	53	60	70	80	90	104
VH1-8	(53)	PNSGNTGYAQKPQGRVTMTNRNTSISTAYMELSLRSSEDTAVYYCAR-----					
CR2-1.45_HC	(53)	PNSGNTGYAQKPQGRVTMTNRNTSISTAYMELSLRSSEDTAVYYCARGSGYSY					
Consensus	(53)	PNSGNTGYAQKPQGRVTMTNRNTSISTAYMELSLRSSEDTAVYYCAR					Section 3
	(105)	105	110	125			
VH1-8	(99)	-----					SEQ ID NO:1
CR2-1.45_HC	(105)	GVDYYYGMDEVWGQGTTVTVSS					SEQ ID NO:38
Consensus	(105)						

***Figure 35B***

										Section 1										
										53										
										10	20	30	40							
A20	(1)	DIQMTQSPFSSLSASVGDRVTITCRASQGISNYLAWYQOKPGKVPKLLIYAAS																		
CR2-1.45_LC	(1)	DIQMTQSPFSSLSASVGDRVTINCRASQGISNDLAWYQOKPGKVPKLLIYAAS																		
Consensus	(1)	DIQMTQSPFSSLSASVGDRVTI CRASQGISN LAWYQOKPGKVPKLLIYAAS																		
										Section 2										
										60	70	80	90	106						
A20	(54)	DQSGVSRFRSGSGSGTDFTLTITISLQPEDVATYYCQKYN										-----								
CR2-1.45_LC	(54)	DQSGVSRFRSGSGSGTDFTLTITISLQPEDVATYYCQKYN										APTFPGGTKVDI								
Consensus	(54)	LQGVSRFRSGSGSGTDFTLTITISLQPEDVATYYCQKYN																		
										Section 3										
										107	110	120	130	140	150	160	170	180	190	200
A20	(96)	SEQ ID NO:9																		
CR2-1.45_LC	(107)	SEQ ID NO:39																		
Consensus	(107)																			

**FIGURE 36**

**Figure 36A**

		Section 1					
		(1)	10	20	30	40	51
VH1-8	(1)	QVQLVQSGAEVKKPGASVKVSCKASGYFTSYDINWVRQATGQGLEWMGWM					
CR2-1.46.1_HC	(1)	QVQLVQSGAEVKKPGASVKVSCKASGYFTSYDINWVRQATGQGLEWMGWM					
Consensus	(1)	QVQLVQSGAEVKKPGASVKVSCKASGYFTSYDINWVRQATGQGLEWMGWM					
		Section 2					
		(52)	60	70	80	90	102
VH1-8	(52)	NPNSGNTGYAQKFGGRVTMTNTSISTAYMELSSLRSEDTAVYYCAR					
CR2-1.46.1_HC	(52)	NPNSGNTGYAQKFGGRVTMTNTSISTAYMELSSLRSEDTAVYYCAR					
Consensus	(52)	NPN GNTGYAQKFGGRVTMTNTSISTAYMELSSLRSEDTAVYYCAR					
		Section 3					
		(103)	103	110	126		
VH1-8	(99)	VVTATDYYYGMDVWGQGTTVTVSS				SEQ ID NO:1	
CR2-1.46.1_HC	(103)	VVTATDYYYGMDVWGQGTTVTVSS				SEQ ID NO:40	
Consensus	(103)						

**Figure 36B**

Section 1						
	(1)	10	20	30	40	52
A30	(1)	DIQMTQSPSSLSASVGDRVTITCRASQGIKNDLGWYQKPKAPKRLTAAAS				
CR2-1.46.1_LC	(1)	DIQMTQSPSSLSASVGDRVTITCRASQGIKNDLGWYQKPKAPKRLTAAAS				
Consensus	(1)	DIQMTQSPSSLSASVGDRVTITCRASQGIKNDLGWYQKPKAPKRLTAAAS				
Section 2						
	(53)	53	60	70	80	104
A30	(53)	SLSGVPSRFSGSGSGTEFTLTISSLQPEDFATYYCLOHNSYP				
CR2-1.46.1_LC	(53)	SLSGVPSRFSGSGSGTEFTLTISSLQPEDFATYYCLOHSGYPPTFGQGTKV				
Consensus	(53)	SL SGVPSRFSGSGSGTEFTLTISSLQPEDFATYYCLOH YP				
Section 3						
	(105)	1057				
A30	(96)	---	SEQ ID NO:11			
CR2-1.46.1_LC	(105)	EIK	SEQ ID NO:41			
Consensus	(105)					

ANTIBODIES DIRECTED TO PDGFD AND USES THEREOF  
 Corvalan et al.  
 Appl. No.: 10/041,860 Atty Docket: ABGENIX.051A

**FIGURE 37**

**Figure 37A**

Section 1						
	(1)	10	20	30	40	51
CR2-1.48.1_HC	(1)	QVQLVQSGAEVVRKPGASVVRVSCKASGYTFTSYGISWVROAPGGGLEWMMGWI				
VH1-18	(1)	QVQLVQSGAEVVRKPGASVVRVSCKASGYTFTSYGISWVROAPGGGLEWMMGWI				
Consensus	(1)	QVQLVQSGAEVVRKPGASVVRVSCKASGYTFTSYGISWVROAPGGGLEWMMGWI				
Section 2						
	(52)	60	70	80	90	102
CR2-1.48.1_HC	(52)	SAYNGNTNYAQKLGGRVTMTTDTSTSTAYMELRSLRSDDTAVYYCARDVEY				
VH1-18	(52)	SAYNGNTNYAQKLGGRVTMTTDTSTSTAYMELRSLRSDDTAVYYCAR----				
Consensus	(52)	SAYNGNTNYAQKLGGRVTMTTDTSTSTAYMELRSLRSDDTAVYYCAR				
Section 3						
	(103)	103	110	125		
CR2-1.48.1_HC	(103)	YYDGSGLYYFDYWGGGLTVTVSS			SEQ ID NO:42	
VH1-18	(99)	-----			SEQ ID NO:2	
Consensus	(103)					

**Figure 37B**

Section 1						
	(1)	10	20	30	40	52
CR2-1.48.1_LC	(1)	DIQMTQSPSSVSASVGDRVTITCRASQGISWLAHWYQKPKAPKLLIYAAS				
L5	(1)	DIQMTQSPSSVSASVGDRVTITCRASQGISWLAHWYQKPKAPKLLIYAAS				
Consensus	(1)	DIQMTQSPSSVSASVGDRVTITCRASQGISWLAHWYQKPKAPKLLIYAAS				
Section 2						
	(53)	60	70	80	90	104
CR2-1.48.1_LC	(53)	ILQSGVPSRFSGSGSGTDFTLTISLSLPEDFAFYCQQNSFPRTFGQGTKV				
L5	(53)	SLQSGVPSRFSGSGSGTDFTLTISLSLPEDFAFYCQQNSFP-----				
Consensus	(53)	LQSGVPSRFSGSGSGTDFTLTISLSLPEDFAFYCQQNSFP				
Section 3						
	(105)	1067				
CR2-1.48.1_LC	(105)	EIK	SEQ ID NO:43			
L5	(96)	---	SEQ ID NO:7			
Consensus	(105)					

**FIGURE 38**

**Figure 38A**

Section 1						
	(1)	10	20	30	40 51	
CR2-1.49.1_HC	(1)	QVQLVQSGAEVKKPGASVKVSCKRSGYTPTSTMDTNWVRQATGQGLEWMGWM				
VH1-8	(1)	QVQLVQSGAEVKKPGASVKVSCKRSGYTPTSTMDTNWVRQATGQGLEWMGWM				
Consensus	(1)	QVQLVQSGAEVKKPGASVKVSCKRSGYTPTSYDINWVRQATGQGLEWMGWM				
Section 2						
	(52)	60	70	80	90 102	
CR2-1.49.1_HC	(52)	NPNSGDTGYAQRFGGRVTMTPTNTSISTAYMELSSLRSEDYAVYICARMRDI				CARMRDI
VH1-8	(52)	NPNSGNTGYAQRFGGRVTMTPTNTSISTAYMELSSLRSEDYAVYICAR----				CAR----
Consensus	(52)	NPNSG TGYAQRFGGRVTMTPTNTSISTAYMELSSLRSEDYAVYFCAR				FCAR
Section 3						
	(103)	103	110	127		
CR2-1.49.1_HC	(103)	VATSYYYYYPYGMVDVWGQGTTTVTVSS				SEQ ID NO:44
VH1-8	(99)	-----				SEQ ID NO:1
Consensus	(103)					

**Figure 38B**

Section 1						
	(1)	10	20	30	40 52	
CR2-1.49.1 LC	(1)	DIVMTQSPLSLPVTGPGEPASTISCRSSQSLLHNSNGYNYLDWYLKPGQSPQIL				
A19	(1)	DIVMTQSPLSLPVTGPGEPASTISCRSSQSLLHNSNGYNYLDWYLKPGQSPQIL				
Consensus	(1)	DIVMTQSPLSLPVTGPGEPASTISCRSSQSLLHNSNGYNYLDWYLKPGQSPQIL				
Section 2						
	(53)	53	60	70	80 90 104	
CR2-1.49.1 LC	(53)	IYLGSRASGVNEDRPSGSGSGTDFTLKISRVEAEDVGVYYCMQIQITFGQ				
A19	(53)	IYLGSRASGVNEDRPSGSGSGTDFTLKISRVEAEDVGVYYCMQIQITP----				
Consensus	(53)	IYLGSRASGVNEDRPSGSGSGTDFTLKISRVEAEDVGVYYCMQLQT				
Section 3						
	(105)	105	111			
CR2-1.49.1 LC	(105)	GTRLEIK		SEQ ID NO:45		
A19	(101)	-----		SEQ ID NO:8		
Consensus	(105)					



ANTIBODIES DIRECTED TO PDGFD AND USES THEREOF  
 Corvalan et al.  
 Appl. No.: 10/041,860 Atty Docket: ABGENIX.051A

FIGURE 39

Figure 39A

Section 1						
	(1)	10	20	30	40 51	
CR2-1.51.1_HC	(1)	EVQLVQSGAEVVRKPPGESLKISCRGSGYSPTSYWIGWVRMPGKGLEWNGII				
VH5-51	(1)	EVQLVQSGAEVVRKPPGESLKISCRGSGYSPTSYWIGWVRMPGKGLEWNGII				
Consensus	(1)	EVQLVQSGAEVRKKPPGESLKISCKGSGYSPTS YWIGWVRMPGKGLEWNGII				
Section 2						
	(52)	60	70	80	90 102	
CR2-1.51.1_HC	(52)	YPGDSDA YSPSPQGQVTTISADKSIISTAYLQWSSLRASDTAMYYCARHYDY				
VH5-51	(52)	YPGDSDT YSPSPQGQVTTISADKSIISTAYLQWSSLRASDTAMYYCAR----				
Consensus	(52)	YPGDSD KYSPSPQGQVTTISADKSIISTAYLQWSSLRASDTAMYYCAR				
Section 3						
	(103)	103	110	126		
CR2-1.51.1_HC	(103)	VWRNYRYTGWFDPWGQGLTVTVSS				SEQ ID NO:46
VH5-51	(99)	-----				SEQ ID NO:6
Consensus	(103)					

Figure 39B

Section 1						
	(1)	10	20	30	40 52	
CR2-1.51.1 LC	(1)	EIVLTQSPGTLSLSPGERATLSCRASQSVSSBYLAWYQQKPGQAPRLITYGA				
A27	(1)	EIVLTQSPGTLSLSPGERATLSCRASQSVSSBYLAWYQQKPGQAPRLITYGA				
Consensus	(1)	EIVLTQSPGTLSLSPGERATLSCRASQSVSSBYLAWYQQKPGQAPRLITYGA				
Section 2						
	(53)	53	60	70	80 90 104	
CR2-1.51.1 LC	(53)	ENRATGIPDRPSGSGSGTDFTLTISRLEPEDFAVYYCQQYGSSLPFGPGTK				
A27	(53)	ENRATGIEDRPSGSGSGTDFTLTISRLEPEDFAVYYCQQYGSSP-----				
Consensus	(53)	S RATGIPDRPSGSGSGTDFTLTISRLEPEDFAVYYCQQYGSS				
Section 3						
	(105)	105	108			
CR2-1.51.1 LC	(105)	VDIK		SEQ ID NO:47		
A27	(97)	----		SEQ ID NO:10		
Consensus	(105)					

**FIGURE 40**

**Figure 40A**

		Section 1				
		(1)	10	20	30	40 52
Cur2-6.4.1 hc	(1)	QVQLVQSGAEVRKPGASVKVSCKASGYTFTSYDINWVROATGGGLENMGNIN				
VH1-8	(1)	QVQLVQSGAEVRKPGASVKVSCKASGYTFTSYDINWVROATGGGLENMGNIN				
Consensus	(1)	QVQLVQSGAEVRKPGASVKVSCKASGYTFTSYDINWVROATGGGLENMGNIN				
		Section 2				
		(53)	60	70	80	90 104
Cur2-6.4.1 hc	(53)	PNSGNTDYAOKPQGRVTMTTRDTSTSTAYMELSSLRSEDTAIYYCVRGFGYSY				
VH1-8	(53)	PNSGNTGYAOKPQGRVTMTTRNTSTSTAYMELSSLRSEDTAIYYCAR-----				
Consensus	(53)	PNSGNT YAOKPQGRVTMTR TSISTAYMELSSLRSEDTAIYYC R				
		Section 3				
		(105)	105	110	125	
Cur2-6.4.1 hc	(105)	NYDYYYGMDVWGQGTTVTVSS				SEQ ID NO:48
VH1-8	(99)	-----				SEQ ID NO:1
Consensus	(105)					

**Figure 40B**

		Section 1				
		(1)	10	20	30	40 52
Cur2-6.4.1 Lc	(1)	EIVLTQSPGTLSLSPGERATLSCRASQSVSSSYLAHWYQKPGQAPRLIITYT				
A27	(1)	EIVLTQSPGTLSLSPGERATLSCRASQSVSSSYLAHWYQKPGQAPRLIITYA				
Consensus	(1)	EIVLTQSPGTLSLSPGERATLSCRASQSVSSSYLAHWYQKPGQAPRLIITYA				
		Section 2				
		(53)	60	70	80	90 104
Cur2-6.4.1 Lc	(53)	SSRATGIPDRFSGSGSGTDFTLTISRLEPEDFAVYYCQYGGSPFCSPGQGTK				
A27	(53)	SSRATGIPDRFSGSGSGTDFTLTISRLEPEDFAVYYCQYGGSP-----				
Consensus	(53)	SSRATGIPDRFSGSGSGTDFTLTISRLEPEDFAVYYCQYGGSP				
		Section 3				
		(105)	105	108		
Cur2-6.4.1 Lc	(105)	LEIK			SEQ ID NO:49	
A27	(97)	----			SEQ ID NO:10	
Consensus	(105)					